



Ajuste das condições de amplificação de marcadores microssatélites derivados de seqüências gênicas e genômicas em feijão comum e análise de segregação na população de mapeamento BAT93 x JALO EEP558.

Camargo, GSO¹; Brondni, C²; Brondani, RPV²

¹ Bolsista CNPq, EMBRAPA Arroz e Feijão; ² EMBRAPA Arroz e Feijão;

grazilasilviacamargo@gmail.com

Palavras-chave: Marcadores microssatélites, *Phaseolus vulgaris*, Seqüências gênicas

Os marcadores microssatélites (SSR) são considerados ideais para análises genéticas por combinarem características vantajosas, como herança co-dominante, multialelismo, ampla distribuição no genoma e amplificação via PCR. Este trabalho teve como objetivo avaliar e ajustar, quanto ao padrão de amplificação, um conjunto de marcadores SSR desenvolvidos para *Phaseolus vulgaris*, seguido pela análise de polimorfismo e segregação na população BAT93 x JALO EEP558 (BJ). Um total de 421 marcadores SSR de feijoeiro comum foi avaliado quanto ao padrão de amplificação, sendo 377 de seqüências gênicas (EST-SSR) e 44 de bibliotecas genômicas (série Pv). Os SSRs foram inicialmente testados utilizando condições de amplificação padrão. Dos 421 marcadores testados, 320 apresentaram boa capacidade de amplificação, sendo 302 EST-SSR e 18 da série Pv. Dos 336, 149 (49%) amplificaram bandas específicas, 153 (50,66%) com rastro ou sombra e 34 (10,11%) inespecíficas. Para os 44 SSRs da série Pv, 22 (50%) amplificaram produtos de PCR, sendo 13 (72%) com bandas específicas, cinco (27%) com sombra ou rastro e quatro (18%) inespecíficas. Dos 320 marcadores SSRs com padrão satisfatório de amplificação, 76 foram polimórficos entre os parentais BJ e genotipados na progênie de 73 indivíduos. Os marcadores polimórficos estão sendo incorporados no mapa de referência da população BJ que possui 106 marcadores SSRs. As informações geradas nesse estudo serão fundamentais para a realização de estudos que envolvam a identificação de marcadores para a montagem de sistemas de multiloco para fins de genotipagem em feijão comum. Resumo publicado no 3º Congresso de Iniciação Científica do Uni-Anhanguera do ano de 2008: Camargo, G.S.O; Brondani, C.; Brondani, RPV. Ajuste das condições de amplificação de marcadores microssatélites derivados de seqüências gênicas e genômicas em feijão comum e análise de segregação na população de mapeamento BAT93 x JALO EEP558.

Apoio Financeiro: CNPq.