



Desenvolvimento de marcadores EST-SSR para mapeamento da apomixia em uma população de *Brachiaria humidicola*.

Vieira, RRT¹; Lira, MTR¹; Carvalho, AAAA¹; Ferreira, MA²; Dusi, DMA²; Carneiro, VTC²; do Valle, CB³; Jungmann, L³; Moretzsohn, MC²; Amaral, ZPS; Buso, GSC²

¹ Universidade de Brasília - UnB, Brasília. ² Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia - CENARGEN, Brasília.

³ Embrapa Gado de Corte, Campo Grande, MS.

mari_tr@hotmail.com

Palavras-chave: mapeamento, aposporia, melhoramento genético.

Plantas poliplóides do gênero *Brachiaria*, que se reproduzem via apomixia aposporica facultativa, são gramíneas forrageiras de importância econômica na América do Sul. Essas gramíneas apomíticas não podem ser melhoradas por meio do melhoramento tradicional por causa da diferença de ploidia entre plantas sexuadas (diplóides) e apomíticas (tetraplóides). Autotetraplóide induzida, *B. ruziziensis* é utilizada em programas de melhoramento para facilitar a introgressão de características agrônomicas de interesse. Programas de melhoramento especiais, dessa natureza, dependem de métodos eficientes para identificação do modo reprodutivo na progênie e modelos de controle genético bem testados. Estudos genéticos indicam que a aposporia em *Brachiaria* é herdada como um caráter dominante e controlado por um fator mendeliano simples. A identificação de uma área genômica relacionada a apomixia em híbridos de *Brachiaria* já tem sido publicada, mas a informação disponível até o momento não inclui nenhum marcador fortemente ligado ao apo-gene(s) que poderia ser utilizado na rápida identificação de progenies de apomíticas. Nesse trabalho foram desenhados 84 primers EST-SSR originados de bancos de sequências públicas e de bancos de seqüências de cDNA de *B. brizantha* apomítica, visando a construção de um mapa da região-apo em *Brachiaria humidicola*. Nessa espécie tetraplóides naturais sexuais e apomíticos são encontrados e uma população F1 foi desenvolvida, composta de 139 indivíduos. Do total de primers desenvolvidos, 40 foram otimizados. Os primers polimórficos serão utilizados no mapeamento da população segregante. A informação obtida nesse trabalho pode ser útil para programas de melhoramento, já em progresso no Brasil, visando o melhoramento das cultivares de *Brachiaria* e projetos que contemplem o isolamento de gene(s) de aposporia.

Apoio Financeiro: EMBRAPA RECURSOS GENÉTICOS E BIOTECNOLOGIA.