



Transferibilidade, otimização e caracterização de marcadores microssatélites de melão para bucha.

Lira, MTR¹; Peixoto, AAP²; Ferreira, MA³; Ferreira, MAJF⁴; Lamas, NS1; Amaral, ZPS³; Buso, GSC³.

¹ Biologia, UnB. ² Agronomia e Medicina Veterinária, UnB. ³ Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia, Brasília.

mari_trl@hotmail.com, buso@cenargen.embrapa.br

Palavras-chave: *Cucumis melo*, *Luffa operculata*, *Luffa cilíndrica*, SSR.

As espécies cultivadas da família *Cucurbitaceae* são importantes para o agronegócio familiar e empresarial brasileiro, gerando emprego e renda. A bucha apesar de não ser nativa, é uma espécie que apresenta ampla variabilidade genética no Brasil em virtude de ter sido domesticada e cultivada há décadas. A variabilidade existente entre acessos consiste em importante fonte de germoplasma para programas de melhoramento, visto que o cultivo é realizado sem o uso de insumos agrícolas havendo a possibilidade de existirem fontes de tolerância a fatores bióticos e abióticos. O conhecimento da variabilidade genética deste germoplasma pode incrementar a sua utilização no melhoramento e conservação da espécie. Uma ferramenta útil para se obter esta informação é o uso de marcadores moleculares. Sequências Simples Repetidas (SSR), ou microssatélites, são marcadores genéticos poderosos para uma análise genômica detalhada. Para algumas espécies dentro do mesmo gênero a taxa de transferibilidade de marcadores tem sido elevada, o que foi constatado para algumas espécies de cucurbitáceas, como o melão e a bucha. Portanto, 153 primers SSR que foram desenvolvidos para melão tiveram sua transferibilidade testada para *Luffa operculata* e *Luffa cilíndrica*. Os 38 primers que amplificaram fragmentos em bucha e buchinha foram otimizados e caracterizados em 32 acessos e o número de alelos por loco e a heterozigosidade observada foram obtidos. Considerando o alto custo para o desenvolvimento de marcadores SSR, a análise de transferibilidade dos microssatélites para *Luffa* foi bastante oportuna, resultando em desenvolvimento de uma ferramenta eficiente para estudos genéticos em espécies deste gênero, pouco estudado.

Apoio Financeiro: EMBRAPA RECURSOS GENÉTICOS E BIOTECNOLOGIA.